

坊農秀雅 (ぼうのうひでまさ)

- ライフサイエンス統合データベースセンター特任准教授
- 埼玉医科大学ゲノム医学研究センター助教授(03/4-07/6)
- その前の3年間、理化学研究所ゲノム科学総合研究センター基礎科学特別研究員(00/4-03/3)
 - マウスの遺伝子機能アノテーション(FANTOM)
- 京都大学化学研究所@宇治で大学隠棲院生時代(-00/3)
 - 代謝経路のデータベース(KEGG)を使ったゲノム解析

H.influenzae *Synechocystis* *S.cerevisiae* *C.elegans* *A.thaliana* *D.melanogaster* *H.sapiens* draft *M.musculus* *H.sapiens* *P.troglodytes*

95 大学院 00 理研 03 埼玉 07 10
Working both on bench and desk 医大 DBCLS

この3年3ヶ月でやってきたこと

- 2007.7- 統合TV



- 371 movies; <http://togotv.dbcls.jp/>
 - 2008.3- 統合データベース講習会 AJACS
 - 20講習会、8講演会、3勉強会 ⇒ 後進に託して引退
 - 2008.10- 発現統合 <http://togoexp.dbcls.jp/>
- これまでの統合TV番組作成に加えてRA/アルバイトの手で
- 2009.4- 統合牧場として(日本語|[DR]NA)配列解析



- ◆ human
- ◆ mouse
- ◆ rat

RefEx

★ EST + RNA-seq

★ iAFLP

★ GeneChip

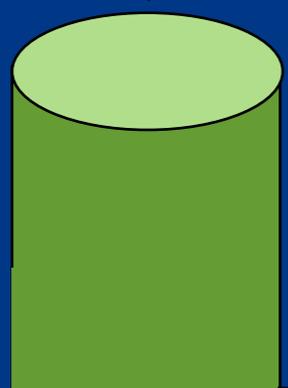
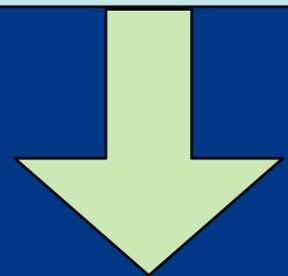
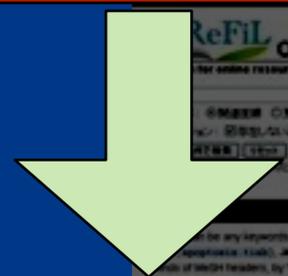
★ CAGE



Buncher viewer

SRA/DRA index

FASTQ files



Buncher pipeline (fa->BLAT->unique)

現状

そして、これから: LOHAS

- 遺伝子発現データのannotationを ⇒ RefEx
 - 研究者自らが身の丈に合ったシステム設計
 - これまで育ててきた統合牧場のRAさんを活用
⇒ 未来の開発者に
- データ解析の共同研究(RNA-seq他)
 - 解析出来る人を育てつつ、引き受けていく方向で

セレブじゃなくて

ロハスなサイエンスを!